**Valutazione della prima nidiata dopo l’arrivo:**

Luogo di consegna (Istituzione e stanza):

Forma (es. IVC, gabbia "aperta", filtro superiore, isolatore, stato igienico):

Ricercatore responsabile progetto:

Origine (nome dell’allevamento, laboratorio esterno, ecc.):

Linea (nome internazionale):

Linea (nome interno):

Nome del gene modificato:

*Background* genetico della linea:

Caratteristiche previste (breve descrizione):

Madre n°: Padre n °: piccoli nati il: Generazione:

Numero di nascite: Data di valutazione:

Segni indicanti la mortalità embrionale o informazioni sulla letalità embrionale:

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Colore del neonato | □ normale | □ anormale (specificare, ad esempio pallido) |
| Attività del neonato | □ normale | □ anormale (specificare, ad esempio, comportamento inquieto) |
| Dimensioni e sviluppo del neonato | □ omogeneo | □ peso non omogeneo | peso□ normale □ ridotto □ aumentato |
| Accesso alla mammella  | □ disponibile  | □ non disponibile |  |
| Cure materne | □ normali | □ anormali (specificare, ad esempio negligenza, cannibalismo) |
| Altri segni importanti: |  |

**Valutazione dopo l’acclimatamento:**

Luogo di consegna (istituzione e stanza):

Forma (es. IVC, gabbia "aperta", filtro superiore, isolatore, stato igienico):

Ricercatore responsabile progetto:

Origine (nome dell’allevamento, laboratorio esterno, ecc.):

Linea (nome internazionale):

Linea (nome interno):

Nome del gene modificato:

*Background* genetico della linea:

Caratteristiche previste (se non già descritte):

Madre n°: Padre n °: piccoli nati il: Generazione:

Numero alla nascita: Numero allo svezzamento: differenza nati - svezzati:

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| numero di identificazione |  |  |  |  |  |  |  |  |
| data di svezzamento |  |  |  |  |  |  |  |  |
| sesso |  |  |  |  |  |  |  |  |
| peso corporeo allo svezzamento |  |  |  |  |  |  |  |  |
| anomalie prima dello svezzamento (vedere la nota a piè di pagina) |  |  |  |  |  |  |  |  |

Anomalie prima dello svezzamento: a = nessuna anomalia, b = aree corporee senza peli, c = nanismo, d = ferite da morso, e = macroftalmia, f = denti anormali, g = idrocefalo, h = altro (specificare).

**Valutazione individuale dei singoli animali**

**Prima valutazione all'età di 2 mesi, quindi a distanza di 3 mesi \***

\* In caso di anomalie, anche tra i singoli esami, gli intervalli temporali saranno abbreviati

Linea (nome interno):

Linea (nome internazionale):

Responsabile Progetto di Ricerca:

Sistema di allevamento:

Numero animale: da cucciolata di: madre e padre del

Sesso: Generazione: Genotipo:

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| Identificativo |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| stato nutrizionale (1) |  |  |  |  |  |  |  |  |
| postura (2) |  |  |  |  |  |  |  |  |
| comportamenti e funzioni motorie (3) |  |  |  |  |  |  |  |  |
| pelle e orifizi (4) |  |  |  |  |  |  |  |  |
| reazione alla manipolazione (5) |  |  |  |  |  |  |  |  |
| peso (6) |  |  |  |  |  |  |  |  |
| altro (7) |  |  |  |  |  |  |  |  |

N.B. Vedere tabella sottostante per la compilazione.

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| (1) stato nutrizionale | (2) postura: | (3) comportamenti e competenze motorie: | (4) mantello: | (5) risposta alla manipolazione | (6) peso | (6) altro: |
| a = emaciato | a = curvo | a = segregazione | a = arruffato | a = aggressivo |  |  a = tumori |
| b = sovrappeso | b= rannicchiato | b = apatia | b = sporco | b = ansioso |  |  b = infiammazione della pelle |
| c = disidratato  |  | c = stereotipie | (4) Orifizi: | c = apatico |  |  c = lesioni da morso |
| - | - | d = movimento ridotto | c = lacrime rosse |  |  |  d = cannibalismo |
| - | - | e = paralisi | d = diarrea/scarica | - |  |  e = vocalizzazioni |
| - | - | f = convulsioni o spasmi | - | - |  |  f = prolasso rettale |
| - | - | - | - | - |  |  g = altro (specificare) |

**Valutazione finale delle linee di allevamento geneticamente modificate**

Istituzione e indirizzo:

Linea valutata (nome internazionale):

Linea valutata (nome interno):

Descrizione delle modifiche genetiche, se non già descritte:

Sistema di allevamento degli animali valutati:

Nome del gene modificato:

*Background* genetico della linea:

Animali considerati

Numero:

Età media degli animali alla fine della valutazione:

Numero medio di valutazioni per animale:

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| anomalie evidenti in termini di: | Verificatesi | Numero di animai interessati | anomalie evidenti in termini di: | Verificatesi | Numero di animai interessati |
| stato della nutrizione | Si □ No □  |  | tumore  | Si □ No □ |  |
| postura | Si □ No □  |  | alterazioni della cute | Si □ No □  |  |
| reazione alla manipolazione | Si □ No □  |  | lesioni da morso | Si □ No □  |  |
| mantello/orifizi | Si □ No □  |  | cannibalismo | Si □ No □  |  |
| comportamento | Si □ No □  |  | prolasso rettale | Si □ No □  |  |
| attività motoria  | Si □ No □  |  |  | Si □ No □  |  |
| altre anomalie evidenti |  |
| Anomalie multiple nei singoli animali (spiegare nella valutazione finale)Si □ No □ |

Nelle femmine:

dimensione media della nidiata:

perdite medie per nidiata:

differenze tra nati – svezzati +/- deviazione standard

indagini ulteriori indicano anomalie causate da:

\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

***Valutazione finale***

La sofferenza è classificata come nulla □, bassa □, media □, grave □

Motivo: (descrivere le anomalie rilevate)

\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

Le anomalie descritte sono insorte all'età di \_\_\_\_ settimane con una frequenza di \_\_\_% degli animali esaminati.

In caso di anomalie, si raccomanda di allevare questa linea fino ad un'età di \_\_\_\_ settimane nella misura in cui questo sia compatibile con il protocollo di ricerca.

Responsabile del Progetto di Ricerca:\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

Responsabile del Benessere degli Animali: \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

Luogo, il